**Medizinischen Zentrum für Informations- und Kommunikationstechnik (MIK)
Core Unit für Bioinformatik, Datenintegration und - Analyse (CUBiDA)**
Prof. Dr. Hans-Ulrich Prokosch

Ansprechpartner:
Dr. Pooja Gupta, Telefon:+49 9131 85-48246, E-Mail: pooja.gupta@uk-erlangen.de
Dr. Detlef Kraska, Telefon:+49 9131 85-46400, E-Mail: detlef.kraska@uk-erlangen.de
Allgemeiner Kontakt: mik-cubida@uk-erlangen.de
Allgemeine Informationen: <https://www.mik.uk-erlangen.de/ueber-uns/organisationsstruktur/cubida/>

**Kundendaten / Abfrage:**

|  |  |
| --- | --- |
| Institution / Abteilung / Arbeitsgruppe\*: | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Datum der Anfrage: | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Projekttitel: | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Projektbeschreibung: | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Projektverantwortlicher\*: | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Telefon\*: | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Email\*: | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Weitere Kontakte / Projektmitarbeiter: | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Adresse: | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Ergebnisse werden erwartet bis: | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |

\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_\_

Datum und Unterschrift

**Auftragsdetails:**

Für eine zeitnahe Bearbeitung Ihres Auftrages benötigen wir einige Informationen vorab. Hierfür füllen Sie bitte folgenden Fragebogen aus und senden diesen an:
mik-cubida@uk-erlangen.de

|  |  |
| --- | --- |
| Gewünschte Analyse- Auftragsform\*:(z.B. div. Sequenzierungsdatenanalyse, Datenintegration in ein System etc.) | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Datentyp\*: (z.B.: klinische Daten, Omics Daten, etc.) | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Datenformat\*: (z.B.: csv, xlsx, mzML, FASTQ, etc.):  | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Datengröße\*:(wie viele Gb haben Ihre Daten?) | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Spezies\*:(z.B. Human, Maus etc.) | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Verwendete Technik für die Datengenerierung /-messung\*:(z.B. QExactive Focus Massenspektrometer, 10X genomics, welches LibraryPrep Protokoll wurde verwendet etc.) | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |
| Sonstiges: | Klicken oder tippen Sie hier, um Text einzugeben. |

\* Notwendige Angaben